



SELEZIONE PUBBLICA N. 2023T41, PER ESAMI, AL FINE DI REPERIRE N. 1 TECNOLOGO DI RICERCA, DI PRIMO LIVELLO (CATEGORIA STIPENDIALE “EP1”), DA ASSUMERE MEDIANTE CONTRATTO DI LAVORO A TERMINE, A TEMPO PIENO, PER N. 60 MESI, IN APPLICAZIONE DELL’ART. 24-B/S DELLA LEGGE 30.12.2010, N. 240, E DEL C.C.N.L. DEL 19.04.2018, IN QUANTO COMPATIBILE, PRESSO IL DIPARTIMENTO DI SCIENZE CHIRURGICHE, ONCOLOGICHE E GASTROENTEROLOGICHE - DISCOG.

QUESITI COLLOQUIO

Elenco n. 1

- 1) Qual è la differenza tra varianti genomiche puntiformi e strutturali? Con che tecniche, di sequenziamento e bioinformatiche, possono essere identificate?
- 2) Come impostaresti un ambiente di calcolo in modo tale da renderlo accessibile a più utenti, affinché le analisi di ciascuno non interferiscano e non causino rallentamenti indesiderati?

Elenco n. 2

- 1) Quali sono gli strumenti più popolari per facilitare l'installazione di software scientifico?
- 2) Può farci un esempio di un metodo per analisi statistica supervisionata e di uno al contrario per analisi non supervisionata?

Elenco n. 3

- 3) Che differenza c'è tra mappaggio delle reads e de novo assembly? Quali sono i vantaggi e gli svantaggi dei due approcci?
- 4) Quando si applicano i test statistici non parametrici? Fare un esempio nell'ambito del sequenziamento di trascrittomi (analisi di dati quantitativi d'espressione), come quelli ottenibili mediante RNA-seq.