



**SELEZIONE N. 2023T11, PER ESAMI, AL FINE DI REPERIRE N. 1 TECNOLOGO DI RICERCA, DI SECONDO LIVELLO (CATEGORIA STIPENDIALE PARI A "D3"), DA ASSUMERE MEDIANTE CONTRATTO DI LAVORO A TERMINE, A TEMPO PIENO, PER N. 60 MESI, AI SENSI DELL'ART. 24-BIS DELLA LEGGE 30.12.2010, N. 240, E DEL C.C.N.L. DEL 19.04.2018, IN QUANTO COMPATIBILE, PRESSO IL DIPARTIMENTO DI BIOMEDICINA COMPARATA - BCA.**

### QUESITI PROVA SCRITTA

**Busta n. 1:**

1. Descrivere brevemente i principali database di sequenza presenti in NCBI
2. Descrivere gli indici di diversità microbica relativi ad un'analisi 16S gene amplicon sequencing

**Busta n. 2:**

1. Differenza tra 16S gene amplicon sequencing e metagenomica, pro e contro
2. Descrizione e utilizzo di software per l'analisi funzionale di comunità microbiche

**Busta n.3:**

1. Descrizione di pipeline (software, indici di analisi) di un output di metagenomica
2. Descrizione di pipeline di dati derivanti da ri-sequenziamento di genomi eucarioti prodotti con piattaforma NGS