



**SELEZIONE PUBBLICA N. 2025S2, PER ESAMI, PER LA STIPULA DI N. 1 CONTRATTO DI LAVORO A TERMINE PER L'AREA COLLABORATORI, SETTORE PROFESSIONALE TECNICO, SCIENTIFICO, TECNOLOGICO, INFORMATICO E DEI SERVIZI GENERALI, PER N. 12 MESI, AI SENSI DEL D.LGS. 30.03.2001, N. 165 E S.M.I., DEL D.LGS. 15.06.2015, N. 81, IN QUANTO COMPATIBILE, E DEL C.C.N.L. DEL 18.01.2024, PRESSO IL DIPARTIMENTO DI BIOLOGIA – DIBIO.
TECNICO DI LABORATORIO PER STUDIO DI ECOLOGIA MOLECOLARE E GENOMICA DI ORGANISMI MARINI ANTARTICI.**

QUESITI COLLOQUIO

PROVA N. 1:

1. Che elementi principali deve contenere una relazione tecnica su un esperimento di laboratorio?
2. Che differenze ci sono tra marcatori genetici nucleari e mitocondriali?
3. Come si inserisce una nota a piè di pagina in un documento Word?
4. Leggere e tradurre il seguente testo:

As increasing attention is focused on global change and loss of biodiversity (IPBES, 2019), it is critical to understand the changes and challenges that wildlife populations face and use the tools now available for management and conservation of wildlife species. Central issues in wildlife conservation include identifying populations and units for conservation, assessing population size and connectivity detecting hybridization, assessing the potential of populations to persist and adapt to environmental change, and understanding the factors that affect this potential. Genetic information can inform all of these issues and provide critical information for designing management strategies to address them.

PROVA N. 2:

1. Che cos'è un marcatore mitocondriale e che vantaggi e svantaggi caratterizzano questo marcatore per la genetica di popolazione?
2. Come si può sviluppare un marcatore specie-specifico per una specie di pesce?
3. Illustri brevemente come effettuare una divisione utilizzando Excel.
4. Leggere e tradurre il seguente testo:

Here we focus on applications of population genomics to wildlife, which we define as natural populations of terrestrial vertebrate species that are the focus of specific attention for conservation or population management (although most of the tools and concepts we discuss are applicable to all of biodiversity, and in particular wildlife biology can learn from applications of population genomics in fisheries). Over the last decade, the field has made substantial progress in understanding how to apply population genomics in wildlife and what questions can be addressed. It is timely to take stock of the progress that has been made to date, learn from some of the successes, and identify avenues for future progress in wildlife population genomics research.